



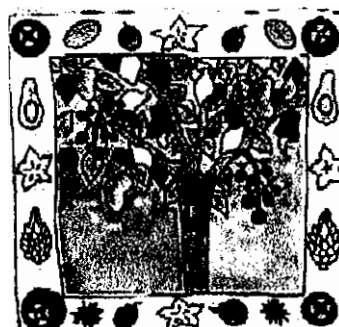
REUNION ANNUELLE 2001 CIRAD-FLHOR

DU 3 AU 6 SEPTEMBRE 2001
AMPHITHEATRE D'AGROPOLIS

PROGRAMMES RESUMES LISTE DES PARTICIPANTS

ARBORICULTURE FRUITIERE

*Cirad-Flhor
TA 50/PS 4
Boulevard de la Lironde
34398 Montpellier Cedex 5
France
Tél. : (33) 4 67 61 58 61
Fax : (33) 4 67 61 58 71*



Intérêt de méthodes de typage moléculaire dans l'analyse de l'épidémiologie du chancre bactérien des agrumes dans l'état de Sao Paulo

C. Savelon, J. Belasque, P. Monteiro et O. Pruvost*

Fundecitrus (Fundo de defesa da citricultura) Araraquara SP Brésil Fax: (55) 162017032 - Email: cient@fundecitrus.com.br

** CIRAD, Pôle de Protection des Plantes, Laboratoire de Phytopathologie, 97410 Saint Pierre, Réunion ; Fax: 0262357641 - Email: olivier.pruvost@cirad.fr*

L'état de Sao Paulo (Brésil) est confronté depuis quelques années à une préoccupante épidémie de chancre asiatique des agrumes (*Xanthomonas axonopodis* pv. *citri*). Le nombre de nouveaux foyers a, à partir de 1996 - date de l'introduction de la mineuse des agrumes (*Phyllocnistis citrella*) -, augmenté de façon exponentielle pour atteindre plus de 4000 en 1999, avec comme conséquence directe l'arrachage d'environ 2 millions d'arbres. L'optimisation des stratégies de lutte passe par une amélioration des connaissances scientifiques sur la bactérie responsable, la maladie qu'elle provoque et l'insecte favorisant son développement. Un effort de recherche international est en train de se structurer avec comme objectifs principaux :

- la modélisation des épidémies dans l'état de Sao Paulo (épidémiologie quantitative) - collaboration Brésil/USA,
- la caractérisation moléculaire d'isolats associés aux différents foyers (épidémiologie moléculaire) - collaboration Brésil/France.

Ces deux approches sont complémentaires. Dans le cas de l'épidémie de chancre des agrumes dans l'état de Sao Paulo, où une stratégie d'éradication totale est mise en œuvre, le typage moléculaire des isolats pourrait permettre de dresser une cartographie des différents haplotypes et de déterminer les relations épidémiologiques entre isolats détectés dans différents nouveaux foyers, de mettre en évidence la réactivation d'inoculum latent, et à terme d'évaluer l'efficacité du programme d'éradication en mesurant la relation génétique des isolats associés aux nouveaux foyers.

Les travaux actuels concernent : (i) la collecte sur le terrain et dans des collections de laboratoires brésiliens d'un nombre important d'isolats de *Xanthomonas axonopodis* pv. *citri* associés aux foyers épidémiques des dernières années, (ii) l'évaluation de trois séquences insertionnelles (IS) en tant qu'outil d'analyse de la diversité génétique de *Xanthomonas axonopodis* pv. *citri*.